

الملخص العربي

حيى الله مصر وأرضها بنهر من أنهار الجنة ألا وهو نهر النيل الذي يمثل شريان الحياة بالنسبة لها. وفي هذا النهر وميادنه العذبة يقطن واحد من أهم أنواع الأسماك التي تمثل مصدراً رئيسياً في التغذية وفي مجالات اقتصادية عديدة مما أضفي عليها أهمية اقتصادية كبيرة جداً نظراً لجودة لحومها ومعدل تكاثرها السريع.

هذه الأسماك هي أسماك البلطي التي تتميز بدرجة عالية من التنوع والإختلاف، مما دفع الباحثين إلى تكريث جدهم العلمي في تمييز هذه الأنواع بعضها عن بعض وتسجيل خصائص مميزة لكل نوع منها عن النوع الآخر. ومما هو معروف لدى الباحثين عن هذه الأسماك أنها تنقسم إلى مجموعتين طبقاً لسلوكها أثناء عملية التكاثر. المجموعة الأولى وتشمل جنسين هما الأوروکروماس (*Oreochromis*) والساروثرودون (*Sarotherodon*) وتنتمي هذه المجموعة بأنها تحضن بيضها في الفم حتى وقت الفقس أما المجموعة الثانية وتشمل جنس التيلapia (*Tilapia*) وينتمي بوضع البيض قرب الشاطئ وعدم احتضانه داخل فمه.

لذا فقد استهدفت هذه الدراسة، دراسة أربعة أنواع رئيسية من هذه الأسماك وهي البلطي النيلي (*Oreochromis niloticus*) ، البلطي الحساني (*Oreochromis aureus*)، البلطي الأبيض (*Sarotherodon galilaeus*) والبلطي الأخضر (*Tilapia zillii*). كما استهدفت محاولة تعريف وتمييز كل نوع من هذه الأسماك عن النوع الآخر.

بدايةً تم التعريف والتمييز بين هذه الأنواع باستخدام تقنية الميكروسكوب الذري الماسح لدراسة خصائص الغطاء الخارجي للجسم وهو القشور العادية وقشور الخط الجانبي. ولقد سجل ووثق طيف واسع من التباين في خصائص القشور العادية والتي شملت الشكل العام للقشرة والحافة الأمامية لها وكذلك شكل الميازيب التي تكون الشعاعيات. كما امتد هذا الطيف من التباين في منطقة المركز و الحبيبات الصبغية الخاصة بالمنطقة الخلفية للقشرة. وعلى إمتداد أعمق، تم عمل مسح ذري على ٣٥ ميكرومتر مربع من منطقة الحلقات الدقيقة بين الميازيب ودراسة الأسنان الموجودة عليها وتسجيل الخصائص المميزة لها في كل نوع من الأربعة عن طريق الصور ثنائية

الأبعاد وثلاثية الأبعاد. كما تم تحليل هذه الصور باستخدام بعض برامج الحاسوب للحصول على معلومات عن خشونة هذه القشور ومدى التباين بينها من حيث درجة الخشونة في كل نوع من الأسماك محل الدراسة.

هذا وقد أوضحت تلك الصور والقياسات خصائص مميزة لكل نوع من حيث خشونة القشور. حيث سجلت قشور البلطي النيلي (*O. niloticus*) أعلى درجة نعومة على السطح الخارجي لها، بينما سجلت قشور البلطي الأخضر (*T. zillii*) أعلى درجة خشونة على سطحها الخارجي. أما قشور البلطي الحسانى (*O. aureus*) والبلطي الأبيض (*S. galilaeus*) فقد سجلت درجة خشونة متوسطة. مما أدى إلى تسجيل تقارب ملحوظ بين البلطي الحسانى والأبيض وتباعد كل من البلطي النيلي والأخضر.

كما استهدفت الدراسة تناول إحدى الطرق التقليدية المستخدمة في التمييز بين أنواع الأسماك المختلفة وهي دراسة الصفات الأستيومترية والتي تتمثل في دراسة الهيكل الداخلي للجسم عن طريق استخدام أشعة إكس وكذلك دراسة الأسنان الفكية والبلغومية من حيث الشكل والحجم والإصطفاف وتشكيل الحواف الخارجية للأسنان.

وقد سجلت هذه القياسات والصور الفوتوغرافية خصائص مميزة لكل نوع من الأنواع المذكورة عن النوع الآخر. كما أقرت تشابه وتقابض حميم خاصة بين نوعي البلطي النيلي والحسانى (*O. niloticus & O. aureus*). كما سجلت هذه الدراسة تباعداً منطقياً بين هذين النوعين ونوعي البلطي الأبيض (*S. galilaeus*) والبلطي الأخضر (*T. zillii*) حيث أن النوعين السابقين ينتميان لنفس الجنس، مما يدل على وجود تباين تصنيفي وجيني بينهم.

ونظراً لكفاءة هذه الطرق التقليدية في التمييز بين الأجناس المختلفة مع وجود بعض التداخلات عند استخدام هذه الطرق في التمييز بين الأنواع أو الفصائل التابعة لنفس الجنس، فقد استخدمت التقنيات الحديثة للتمييز بين هذه الأنواع الأربعية بوضوح سواء كانت تابعة لنفس الجنس أو لأجناس مختلفة.

تفاعل سلسلة البلمرة (PCR) يعد واحداً من أهم التقنيات الحديثة التي يتم بها التعرف على الأنواع المختلفة لأنها تتيح فرصة تضاعف الجينات محل الدراسة بدرجة كبيرة حتى يتيح استخدامها في تقنيات أخرى. وقد استهدفت هذه الدراسة التمييز بين

الأنواع باستخدام تتابع النيوكليوتيدات لجين الوحيدة الصغيرة للحمض النووي (18S rRNA gene) وذلك باستخدام جهاز الدوار الحراري (Thermal circler) للحصول على الجين ثم جهاز التتابع (sequencer) على تتابع النيوكليوتيدات المكونة للجين، ومن ثم يتم تحليل هذا التتابع للنيوكليوتيدات باستخدام بعض برامج الحاسوب وموقع الشبكة العنكبوتية. يعد برنامج الإضافة الحيوية (Bio-edit) أول تلك البرامج المستخدمة ويعطي هذا البرنامج تحليل للنيوكليوتيدات المختلفة (A, T, C & G) وعدد كل منها ونسبة $\% C+G$ داخل الجين الخاص بكل نوع. وأيضاً باستخدام بعض برامج الشبكة العنكبوتية تم تطابق التتابع النيوكليوتيدى للأربعة أنواع المختلفة حيث بلغت نسبة التطابق بين الأنواع الأربعة ٧٦.٧٪ ، و كذلك رسم بعض أشجار العائلة التي توضح درجة القرابة بين كل نوع والآخر. وقد تم التوصل إلى أن تتابع النيوكليوتيدات ثابت إلى درجة كبيرة في جينات الأنواع الأربعة باستثناء عشرة مناطق تعد مناطق اختلافات (Variable regions) ومعظم هذه المناطق أكدت وجود تقارب حميم بين البلطي النيلي والحسانى وتباعدهما عن نوعى البلطي الأبيض والأخضر.

وقد تأكّدت هذه النتائج من أشجار العائلة حيث استخدمت ثلاثة أنواع من الأشجار وهى البارسيموني (Parsimony) والبوتستрап (Bootstrapping) وشجرة المسافات (Distance tree) حيث أوضحت جميع هذه الأشجار تقارب البلطي النيلي والبلطي الحسانى في مجموعة واحدة وتقارب البلطي الأبيض والأخضر في مجموعة واحدة. هذا بالإضافة إلى أن شجرة المسافات خاصة قد أوضحت تقع البلطي الحسانى من البلطي النيلي على مسافة ٠٠٧٦ و تجمع البلطي الأبيض مع البلطي الأخضر في مجموعة واحدة على مسافة ٤٢٠٠، في نفس الوقت الذي تباعدت فيه كلتا المجموعتين كل عن الأخرى بمسافة ٠٠٨٢٩.

يعد الحامض النووي الريبوسومي (rRNA) هو المنتج النهائي لترجمة جين الوحيدة الصغيرة، وهذا الشريط الفردي من الحامض النووي الريبوسومي يتكون من عدة مناطق مزدوجة التتابع وهى السيقان (Stems) وأخرى فردية التتابع وهى العرو (loops) وتكون هذه المناطق المتدخلة من السيقان والعرو شكلاً خاصاً يسمى التركيب الثنائي للحامض النووي الريبوسومي، وقد استخدم هذا التركيب للتمييز بين الأنواع المختلفة حيث

أن الجين الخاص بكل نوع من الأسماك محل الدراسة يعطي شكلاً خاصاً ومميزاً للتركيب الثنائي للحامض النووي الريبيوسومي.

وملخص القول، أن النتائج المسجلة من الصفات البيوميتриة والميرستيمية والاستيوميتريية وكذلك البيولوجية الجزئية قد بينت أن الأنواع التي تتنمي إلى نفس الجنس قد أظهرت درجة تقارب حميمة فيما بينها عن تلك التي أظهرتها مع الأنواع المنتسبة للأجناس الأخرى في نفس العائلة.